

# FAURE Alexandra

31 ans.  
Permis de conduire B.  
e-mail : [alfaure@cng.fr](mailto:alfaure@cng.fr)

5 rue traversière  
75012 Paris  
tél : 01 43 41 31 96



## FORMATION

- 1995 **DEA de Biologie Cellulaire et Moléculaire**, Université Grenoble I (Mention AB).  
1994 Maîtrise de Biologie Moléculaire et Génétique, Université Paris XI (Mention AB).  
1988 Baccalauréat, série D.

## EXPERIENCES PROFESSIONNELLES

- 1999... [CNG \(Centre National de Génotypage\)](#) - Equipe Production génotypage (CDI). Responsable de la base des marqueurs et de la qualité du génotypage. Mise en production de nouveaux marqueurs. Gestion de la base des marqueurs, participation au projet de mise en œuvre d'un outil informatique complet de gestion de la production (LIMS, Cimarron). Encadrement de 5 techniciens supérieurs.
- 1998 [GENETHON](#) - Equipe psoriasis (CDD d'un an). Etude du rôle du système HLA dans le psoriasis et classification des familles afin d'affiner les résultats de génotypage. Identification de nouvelles localisations par génotypage, d'une autre maladie dermatologique : les ichthyoses
- 1996-97 [INSERM U 359](#) de recherche sur la drépanocytose (Pointe à Pitre, Guadeloupe). Service national comme volontaire de l'aide technique (16 mois). Etude de la variabilité d'expression de la drépanocytose. Fréquence et caractérisation des  $\alpha$ -thalassémies de type non délétionnel en Guadeloupe.
- 1994-95 **CENG** (Centre d'Etude Nucléaire de Grenoble). Laboratoire de biochimie microbienne. Projet de DEA (10 mois). Surexpression et purification de la protéine IHF (Integration Host Factor) de *Pseudomonas aeruginosa*. Détermination des constantes d'affinité de IHF pour les promoteurs *algD* et *algB*.
- 1991-94 Divers stages en laboratoires de biochimie microbienne, toxicologie et microbiologie au **CENG** et au sein de la société **EUGENE GALLIA**.

## COMPETENCES

- Techniques :** **Biologie Moléculaire :** génotypage en sonde fluorescente ou en sonde froide, typage HLA, recherche d'  $\alpha$ -thalassémies (préparation d'ADN à partir de sang total, southern-blot, séquençage), surexpression de gènes (clonage, électroporation), étude des interactions ADN/protéines (gel retard, analyse au PhosphorImager), régulation transcriptionnelle d'un gène *in vivo* (conjugaison, dosage enzymatique). **Biochimie :** purification de protéines (culture de bactéries en fermenteur de 10 litres, gels SDS-PAGE). Culture Cellulaire. Microbiologie.
- Informatique:** Logiciels de génotypage : GenScan et Genotyper (ABI), logiciels d'analyse des données sous UNIX (calcul de linkage,...). Bases de données (Sybase): langage SQL, programmation Perl, utilitaires développés en interne. Environnement Mac et PC : Word, Excel et autres logiciels.
- Langues :** Anglais (lu, écrit, parlé). Espagnol.

## PUBLICATIONS ET COMMUNICATIONS

- Fischer J, Faure A, Bouadjar B, et al. (2000). Two new loci for autosomal recessive ichthyosis on chromosome 3p21 and 19p12-q12 and evidence for further genetic heterogeneity. *Am. J. Hum. Genet.*, 66(3) : 904-913.
- Romana M, Kéclard L, Froger A, et al. (1998). Spectrum of beta-thalassemia mutations in Guadeloupe (French W. I.) and interactions with other hemoglobinopathies. *Ann. N.Y.Acad. Sci.*, 850 : 423-425.
- Delic-Attree I, Toussaint B, Froger A, Willison J.C, Vignais P.M (1996). Isolation of an IHF-deficient mutant of a *Pseudomonas aeruginosa* mucoid isolate and evaluation of the role of IHF in *algD* gene expression. *Microbiology-UK*, 142 : 2785-2793.